

Compte Rendu Visio Conférence *PepiAnnot*

3 février 2023 -9h30 – 11h

Lors de la visio PepiAnnot :

- Il y avait environ 50 personnes connectées car mis sur canal bioinfo INRAE

Ordre du jour :

Ordre du jour :	1
1. Animation du PEPIAnnot	2
2. Futurs thèmes à aborder	2
3. Prochaine réunion PepiAnnot	2
4. Présentation Véronique Brunaud (équipe Genomic Networks – IPS2 Paris-Saclay): web tools PLMview sur la détection d'éléments cis-régulateurs chez les plantes	2
5. Photo du Jour :	2
Quel beau motif !	2

1. Animation du PEPIAnnot

Animateurs : Martine Da Rocha, Jacques Lagnel et Véronique Brunaud

Toutes les infos sur le site du PEPI IBIS <https://pepi-ibis.inrae.fr/annotation-genomes>

On propose d'ouvrir les visios à la liste bioinfo du PEPI IBIS afin d'avoir plus de visibilité mais les dates sont établies par le groupe.

Rappel du fonctionnement :

- Un groupe d'une quarantaine de personnes bioinfo inrae ou autre, sachant que tout le monde ne vient pas à chaque visio (entre 10 et 20 personnes).
- Le mode de fonctionnement consiste en une visio tous les trimestres/semestres et une participation aux animations lors des journées du PEPI-IBIS.
- Le but de cette visio est de présenter des outils bioinfo, faire un retour d'expérience sur leur utilisation ou d'échanger sur différentes problématiques bioinfo.
- Le format est court 1h30 max, simple, en visio et que les personnes puissent interagir en direct.
- Un compte rendu des réunions est disponible et visible de tous sur ce site et les présentations accessibles sur la partie restreinte (se connecter).

2. Futurs thèmes à aborder

- DGenies - DotPlot de chromosomes entiers - *KLOPP Christophe (Philippe)*
- Annotation fonctionnelle - Mercator4/MapMan – (proposition Véronique *DELANNOY Etienne* (à contacter)
- Annotation structurale et fonctionnelle outil avec Helixer (proposition d'Alexandre Cormier)
- Annotation fonctionnelle avec EggNOG orthologie (Johann Joets)
- PanGenome/PanTranscriptome ?
- Re- annotation des familles de gènes ?

Plus général concernant le PEPI-IBIS

- **R shiny & R markdown** - outils puissants pour l'analyse et la traçabilité en bioinformatique
- SnackMake vs NextFlow : comparaison et qui utilise quoi ...

3. Prochaine réunion PepiAnnot

- **Avril/mai 2022 à fixer**
- **Qui ? Johann possible**

4. Présentation Véronique Brunaud (équipe Genomic Networks – IPS2 Paris-Saclay): web tools PLMview sur la détection d'éléments cis-régulateurs chez les plantes

Présentation de la méthode PLMdetect et de l'outil web PLMview

<http://plmview.ips2.universite-paris-saclay.fr>

5. Photo du Jour :

Quel beau motif !

