

Compte Rendu Visio Conférence PepiAnnot

11 Avril 2019 -10h00 / 11h30

<https://rendez-vous.renater.fr>

le 29 Mai 2019

Membres (11)	Unité
AMSELEM Joëlle	URGI, INRA Versailles
BOUDET Nathalie	IPS2, MdC UEVE, Gif sur Yvette
BRIONNE Aurélien	INRA, Tours
BRUNAUD Véronique	IPS2, Gif sur Yvette
CANAGUIER Aurélie	INRA, EPGV, Evry
CHOULET Frédéric	INRA GDEC-UCA, Clermont-Ferrand
CORRE Erwan	CNRS Roscoff
DA-ROCHA Martine	INRA, Sophia Agrobiotech, Antibes
DEVILLIERS Hugo	INRA, Micalis, Jouy-en-Josas
KREPLAK Jonathan	INRA, Dijon
LE DANTEC Loïc	INRA Bordeaux
LEROY Philippe	INRA GDEC-UCA, Clermont-Ferrand
NEUVEGLISE Cécile	INRA, Micalis, Jouy-en-Josas
RIMBERT Hélène	INRA GDEC-UCA, Clermont-Ferrand
ROGIER Odile	INRA Orléans
SOMON Adeline	INRA, Versailles
VELT Amandine	INRA Colmar

Si des personnes manquent dans la liste ne pas hésiter à contacter Véronique ou Philippe pour une mise à jour

- On renonce à faire la liste des présents et des absents, c'est très difficile et de toute façon pas très nécessaire ☺
- Lors de la visio PepiAnnot du 11 Avril, il y avait *a priori* 14 personnes connectées

Ordre du jour :

1. Site web1
2. Véronique Brunaud - Facteur de transcription.....2
3. Mise à jour de la liste des prochaines visioconférences possibles2
4. Journée PEPI-IBIS2
5. Prochaine VisioConf3
6. Photos du Jour3

1. Site web

<https://pepi-ibis.inra.fr/annotation-genomes>

Toujours le problème du lien web qui ne permet pas un accès direct au Groupe PepiAnnot ! Pour mémoire (cf CR de la visio du 21 Janvier) ...

➔ Véronique à fait les modifications (fin mai) pour que la page de présentation du groupe et des CR de visio soit accessibles sans login inra

2. Véronique Brunaud - Facteur de transcription et motifs de fixation des FT

C'est Véronique qui nous a présenté les Facteurs de Transcription (FT) (cf PepiAnnot-avril2019_TFBS_VB.pdf). Présentation très détaillée sur la théorie, même si tout n'est pas connu sur les mécanismes moléculaires) et quelques outils qui utilisent soit une approche consensus (motifs) ou des matrices avec un modèle probabiliste derrière qu'il faut bien connaître pour évaluer la pertinence des résultats.

RQ : on ne retrouve pas toujours la « TATAbox » en amont du TSS (Transcript Start Site) sur laquelle se fixe la polymérase.

Comme outils on peut nommer :

- PlantCare
- RSAT
- MEMEsuite
-

Véronique a insisté sur le problème des faux positifs, du bruit de fond et le fait que les facteurs de transcriptions s'expriment en cascade. Ce qui rend difficile la modélisation des réseaux de gènes et leurs co régulations.

Présentation des méthodes expérimentales pour déterminer les cibles de FT (ChIP-Seq, DAP-Seq, SELEX) RQ : Il y a toujours des FT que l'on n'arrive pas à caractériser.

3. Mise à jour de la liste des prochaines visioconférences possibles

- Identification fine de promoteurs - Catherine Ravel INRA GDEC (à contacter par Philippe)
- Annotation des Éléments Transposables - Johnatan Kreplack
- Analyses de variants (SNPs) - Hélène Rimbart
- Analyse de variants structuraux via la technologie bionan (Optical mapping) - William Marrande INRA CNRGV (à contacter par Philippe)
- Identification et traitement des transcrits alternatifs (PASA)
- Gene Ontologie
- Nettoyage de fichiers GFF - problématique des convertisseurs en général
- Pipeline d'identification de lncRNA - Fabrice Legeais INRA Rennes (à contacter par Philippe)
- Petits peptides chez les génomes de plantes - Sébastien Aubourg
- Orthologie - Nathalie Boudet
- Domaines protéiques
- Clusters

Cette liste n'est pas exhaustive. Si un membre du Groupe souhaite se saisir d'un thème, contacter Véronique ou Philippe pour l'organisation de la visioconférence.

4. Journée PEPI-IBIS

Deux [journées du PEPI IBIS](#), financées par [l'Unité Ingenium](#) auront lieu les 6 & 7 juin prochains à [l'Institut des Systèmes Complexes](#) à Paris.

Vous trouverez toutes les informations pratiques à cette URL : <https://pepi-ibis.inra.fr/journees-pepi-ibis-2019>. Le programme est désormais en ligne : https://pepi-ibis.inra.fr/programme_ag2019.

5. Prochaine VisioConférence

Septembre 2019 - Thomas Derrien présentera l'outil FEELnc pour l'annotation des lncRNA - long non-coding RNA

6. Photos du Jour

