

# Programme des Journées du PEPI IBIS 2023

## Jeudi 14 septembre

12h30 - 13h10 : *accueil & café*

13h10 - 13h30 : présentation des journées et du PEPI IBIS

13h30 - 16h : **session Annotation et Analyses**

- Characterization of Transposable Elements in Pangenomes - Somia Saidi
- MetagWGS: A nextflow workflow to analyse whole genome shotgun metagenomics data (Illumina short reads or Pacbio HiFi long reads) - Claire Hoede
- Exploration du transcriptome de la morelle noire pour la recherche de précurseurs de peptides extracellulaires impliqués dans la régulation des espèces réactives de l'oxygène - Sandra Pelletier
- Identifying cytochrome P450 functions in agronomical insect pest - Frédérique Hilliou  
Evaluation de la qualité des annotations de gènes: métriques et outils - Nicolas Lapalu
- Inhibition of Mfd as an innovative strategy in the battle against antimicrobial resistance - Samantha Samson

16h - 16h30 : *pause café*

16h30 - 18h : **session Plateformes bioinformatiques**

- PlantBioinfoPF (URGI) et son offre de service d'annotation des éléments transposables dans les génomes - Johann Confais
- Migale et son offre de service de text-mining - Valentin Loux & Mouhamadou Ba
- GenoToul bioinfo et un focus sur l'assemblage de génomes avec des longues lectures (projet seqOcclN) - Claire Hoede
- Présentation de l'équipe Sigenae, et focus sur deux productions pour la visualisation de bases de données de miRNAs - Cervin Guyomar
- BIPAA, un exemple d'application d'un système automatique, modulaire et FAIR, de gestion de données génomiques - Stéphanie Robin

18h30 - 20h : *apéritif*

## Vendredi 15 septembre

9h15 - 9h30 : *accueil (sans café)*

9h30 - 10h30 : **session Intégration de données**

- Insertion et exploitation de données hétérogènes dans un graphe de connaissance - Nicolas Francillonne & Johann Confais
- Intégration et interrogation de données hétérogènes via Askomics : le cas d'étude du projet DeepImpact - Victor Maigne

10h30 - 11h : *pause café*

11h - 12h30 : **session Intelligence Artificielle**

- Analyse des résultats de prédiction du logiciel AlphaFold2 pour la prédiction des interactions protéine-protéine - Marie-Hélène Mucchielli-Giorgi
- EnzBert: Predicting enzymatic function of protein sequences with attention - François Coste
- CoLab.IA, une plateforme expérimentale d'ingénierie pour le Deep Learning - Jocelyn De Goër

12h30 - 14h : *pause déjeuner*

14h - 15h : **session Responsabilité Sociale et Environnementale (RSE)**

- Petit tour d'horizon de la RSE à INRAE et d'autres initiatives dans le monde de la recherche en France - Sophie Schbath
- Plan d'actions de l'unité MalAGE pour réduire son bilan de gaz à effet de serre - Sophie Schbath
- Retour de la plateforme Get-PlaGe - Gérald Salin
- Bilan Gaz à effet de serre du laboratoire IPS2 - Véronique Brunaud
- Discussion

15h - 16h : **session Reproductibilité**

- Un petit pas vers plus de reproductibilité et de machine learning en scientométrie - Alban Thomas
- Comment mieux optimiser, réutiliser et communiquer autour de ses analyses avec des packages R ? - Cédric Midoux & Philippe Ruiz

16h : Clôture des journées